

Fouille de règles d'association généralisées à travers les disjonctions : Application aux données génomiques

Inès Hilali-jaghdam^{*,**} Tao-Yuan Jen^{**}
Dominique Laurent^{**}, Sadok Ben Yahia^{*}

^{*}Faculté des Sciences de Tunis, Université El Manar, 1060 Tunis, Tunisie.
ines.hilali@isg.rnu.tn, sadok.benyahia@fst.rnu.tn

^{**}ETIS - CNRS - ENSEA, Université de Cergy Pontoise, F-95000, France.
{ines.hilali-jaghdam; jen; dlaurent}@u-cergy.fr

Résumé

Dans ce papier, nous introduisons une nouvelle approche pour la fouille de règles d'association généralisées. Nous considérons au départ des règles d'association disjonctives avec des prémisses et des conclusions *non fréquentes* quand elles sont calculées sous leur forme disjonctive et dont la disjonction (Prémisse \vee Conclusion) est *fréquente*, pour en générer les différentes formes généralisées. Les expérimentations réalisées sur des données biologiques mettent en évidence des résultats encourageants en terme de la performance de l'approche proposée.

Summary

In this paper, we introduce a new approach for mining generalized association rules. We consider as a starting point disjunctive rules with non frequent premises and conclusions when they are calculated in their disjunctive form and with the disjunction (Premise \vee Conclusion) which is frequent, in order to generate all different existing forms. Carried out experiment, on biological data, point out encouraging results in terms of the performance.